

**NAČRT RAVNANJA Z RAZISKOVALNIMI PODATKI
projekta J4-70166**

**Oprelitev bioloških značilnosti in adaptacijskih omejitev novo odkritih
rastlinskih virusov z uporabo sintetične virologije in izčrpne preverjanja
učinkov mutacij**

verzija dokumenta 1.0

Vodja projekta, glavni koordinator:
Dr. Denis Kutnjak, Nacionalni inštitut za biologijo

Ljubljana, 2026

NAČRT RAVNANJA Z RAZISKOVALNIMI PODATKI
projekta J4-70166
verzija dokumenta 1.0

URL (PDF): <https://dirros.openscience.si/>
Elektronska izdaja

Vodja projekta, glavni koordinator:
Dr. Denis Kutnjak, Nacionalni inštitut za biologijo

Založil Nacionalni inštitut za biologijo, Ljubljana

Ljubljana, 2026

Projekt financira Javna agencija za znanstvenoraziskovalno in inovacijsko dejavnost Republike Slovenije



To delo je ponujeno pod licenco Creative Commons Priznanje avtorstva-Deljenje pod enakimi pogoji 4.0 Mednarodna licenca./ This work is licensed under a Creative Commons Attribution-ShareAlike 4.0 International License.

NAČRT ZA RAVNANJE Z RAZISKOVALNIMI PODATKI

OBRAZEC ARIS

Ta obrazec je namenjen pripravi načrta za ravnanje z raziskovalnimi podatki (NRRP) za raziskovalne projekte, ki jih (so)financira Javna agencija za znanstvenoraziskovalno in inovacijsko dejavnost Republike Slovenije (ARIS), kot je določeno v 4. členu [Uredbe o izvajanju znanstvenoraziskovalnega dela v skladu z načeli odprte znanosti](#) (Uradni list RS, št. 59/23).

Raziskovalni podatki so opredeljeni kot zapisi o dejstvih (številčni podatki, besedilni, zvočni in slikovni zapisi), ki predstavljajo osnovno podlago za znanstveno raziskovanje in ki v okviru znanstvene skupnosti veljajo kot ustrezno sredstvo za preverjanje veljavnosti raziskovalnih spoznanj.

Prosimo vas, da izpolnite spodnji obrazec NRRP in ga posredujete ARIS **najkasneje v šestih mesecih od začetka izvajanja raziskovalnega projekta**. Priporočljivo je, da NRRP med izvajanjem raziskovalnega projekta po potrebi redno pregledujete in posodabljate. V primeru sprememb posodobljen NRRP priložite vmesnemu in zaključnem poročilu o rezultatih raziskovalnega projekta.

Pregled vsebine NRRP:

0. Splošne informacije
1. Povzetek in opis raziskovalnih podatkov
2. Shranjevanje in varnostno kopiranje podatkov
3. Zagotovitev podatkov na način FAIR
 - 3.1 Zagotavljanje najdljivosti podatkov (F)
 - 3.2 Zagotavljanje dostopnosti podatkov (A)
 - 3.3 Zagotavljanje interoperabilnosti podatkov (I)
 - 3.4 Zagotavljanje ponovne uporabe podatkov (R)
4. Etični in pravni vidiki
5. Drugi raziskovalni rezultati
6. Finančna sredstva

Uporabljene kratice:

- ADP – Arhiv družboslovnih podatkov
- GDPR – Splošna uredba o varstvu podatkov
- IT – informacijska tehnologija
- RO – raziskovalna organizacija
- ZVDAGA – Zakon o varstvu dokumentarnega in arhivskega gradiva ter arhivih
- ZVOP-2 – Zakon o varstvu osebnih podatkov

Navodilo za izpolnjevanje

Obrazec izpolnite tako, da vsebino vnašate v celice v skrajnem desnem stolpcu oz. tam označite eno od ponujenih možnosti. V teh celicah so sedaj v sivi barvi pisave navedeni razlage oz. navodila za vnos ustreznih podatkov in opisov. To pomožno besedilo lahko po vnosu vsebine izbrišete.

| 0 Splošne informacije | | | | | | | | | | | | |
|---|---|---|--|---|---|--|---------------------------------|--------|-------|-------|--|-----------|
| 0.1 | Šifra projekta | J4-70166 | | | | | | | | | | |
| 0.2 | Naziv projekta | Opredelitev bioloških značilnosti in adaptacijskih omejitev novo odkritih rastlinskih virusov z uporabo sintetične virologije in izčrpnega preverjanja učinkov mutacij | | | | | | | | | | |
| 0.3 | Šifra vodje projekta | 35384 | | | | | | | | | | |
| 0.4 | Ime in priimek vodje projekta | Denis Kutnjak | | | | | | | | | | |
| 0.5 | Ime in priimek osebe, ki je v RO zadolžena za podporo pri ravnanju z raziskovalnimi podatki | Luka Kranjc, podatkovni svetovalec na NIB Datum sestanka: 2. 4. 2026, 15. 4. 2026 | | | | | | | | | | |
| 0.6 | Interna pravila RO za ravnanje z raziskovalnimi podatki | Pravilnik o ravnanju z raziskovalnimi podatki po načelih odprte znanosti Vsebina Pravilnika je dostopna na spletni strani Nacionalnega inštituta za biologijo: https://www.nib.si/images/datoteke/00S-Opr09-01-Pravilnik-o-ravnanju-z-raziskovalnimi-podatki-po-naelih-odprte-znanosti_002.pdf | | | | | | | | | | |
| 0.7 | Verzija NRRP | v 1.0 | | | | | | | | | | |
| 1 Povzetek in opis raziskovalnih podatkov | | | | | | | | | | | | |
| 1.1 | Ali boste pri projektu ponovno uporabili že obstoječe podatke predhodnih raziskav? | <input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne V raziskavi bomo pridobili in ponovno uporabili obstoječe podatke nukleotidnih sekvenc virusov pridobljenih iz repozitorijev (npr. ENA / NCBI GenBank, SRA) v formatu fasta in fastq. Obseg podatkov, ki jih bomo ponovno uporabili tekom raziskave še ni znan in bo objavljen skladno s potekom raziskave v sledečih verzijah NRRP. | | | | | | | | | | |
| 1.2 | Katere vrste podatkov boste ustvarili oz. ponovno uporabili in v katerih formatih | <table border="1"> <thead> <tr> <th>Ustvarjeni podatki</th> <th>Podatki visokozmogljivega sekveniranja - surovi odčitki</th> <th>Podatki sekveniranja - soseske (contigs) ter podatki Sanger sekvenciranja</th> <th>Rezultati kvantitativne PCR, ostali spremni podatki in metapodatki</th> <th>Plazmidi in plazmidna zaporedja</th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td>Format</td> <td>fastq</td> <td>fasta</td> <td>TAB-delimited text-files in UTF-8 encoding</td> <td>fasta, gb</td> </tr> </tbody> </table> | Ustvarjeni podatki | Podatki visokozmogljivega sekveniranja - surovi odčitki | Podatki sekveniranja - soseske (contigs) ter podatki Sanger sekvenciranja | Rezultati kvantitativne PCR, ostali spremni podatki in metapodatki | Plazmidi in plazmidna zaporedja | Format | fastq | fasta | TAB-delimited text-files in UTF-8 encoding | fasta, gb |
| Ustvarjeni podatki | Podatki visokozmogljivega sekveniranja - surovi odčitki | Podatki sekveniranja - soseske (contigs) ter podatki Sanger sekvenciranja | Rezultati kvantitativne PCR, ostali spremni podatki in metapodatki | Plazmidi in plazmidna zaporedja | | | | | | | | |
| Format | fastq | fasta | TAB-delimited text-files in UTF-8 encoding | fasta, gb | | | | | | | | |

| | | | | | | |
|---------------|---|--|---|--|--------------------------|-------------------------------|
| | bodo shranjeni? | Pričakovana velikost | < 500 GB | < 1 GB | < 1 GB | < 1 GB |
| | | Standard minimalnih informacij | Minimal Information about a high throughput SEQuencing Experiment(MIN SEQUE), Minimum Information about any (x) Sequence (MlxS) | INSDC mandatory submission metadata | / | / |
| | | Podatkovni standard* | FASTQ (INSDC) | FASTA (INSDC) | / | / |
| | | Ontologije in nadzorovani besednjaki | / | KEGG , NCBI taxonomy | / | / |
| | | Metapodatkovni standard | INSDC submission and annotation standard | INSDC submission and annotation standard | DataCite Metadata Schema | / |
| | | Repozitorij za dolgotrajno hrambo | SRA | GenBank | Zenodo | ENA / GenBank |
| | | PID dolgotrajne hrambe | Accession number | Accession number | DOI | Accession number |
| | | Licenca dolgotrajne hrambe | javna domena | javna domena | CC BY 4.0 | / |
| Čas hranjenja | trajno | trajno | trajno | trajno | | |
| 1.3 | Kakšen je namen ustvarjanja , zbiranja oz. ponovne uporabe podatkov in njihova povezava s cilji projekta? | <p>Cilj raziskovalnega projekta je eksperimentalno opredeliti biološke lastnosti, evlucijski potencial ter adaptacijske omejitve nedavno odkritih rastlinskih virusov, zlasti tistih, ki so bili identificirani z metagenomskimi pristopi v divjih rastlinah, okoljskih in arheoloških vzorcih. Projekt se osredotoča na razumevanje njihove sposobnosti okuževanja različnih rastlinskih gostiteljev, mehanizmov prilagajanja na nove gostitelje ter možnih kompromisov (trade-offov) med različnimi komponentami virusne preživetvene sposobnosti, kot so stabilnost virionov, replikacija in virulenca.</p> <p>Podatki bodo ustvarjeni, zbrani in/ali ponovno uporabljeni kot ključna podlaga za doseganje navedenih ciljev. V okviru projekta bodo nastajale predvsem naslednje skupine podatkov:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Sekvenčni podatki virusnih genomov (HTS – Illumina, Oxford Nanopore Technologies), pridobljeni iz eksperimentalnih okužb, knjižnic mutantov in populacij virusov po selekciji v različnih gostiteljih ali okoljskih pogojih. Ti podatki bodo omogočili analizo strukture virusnih populacij, identifikacijo mutacij ter kvantifikacijo njihovih učinkov na preživetveno sposobnost. • Eksperimentalni podatki o okužbah rastlin, vključno z rezultati testov gostiteljskega spektra, meritvami virusnega titra (RT-qPCR), spremljanjem simptomov in oceno virulence. Ti podatki so neposredno povezani s ciljem preverjanja biološkega pomena metagenomskih virusnih odkritij ter njihovega potenciala za pojav v kmetijskih sistemih. • Ponovno uporabljeni podatki, zlasti obstoječi genomski in metagenomski sekvenčni podatki in spremljajoči metapodatki iz prejšnjih raziskav raziskovalne skupine ter javno dostopnih podatkovnih zbirk, ki bodo uporabljeni za izbor modelnih virusov, primerjalne analize in interpretacijo rezultatov. <p>Namen ustvarjanja in zbiranja teh podatkov je omogočiti celosten eksperimentalni pristop k preučevanju biološke in evlucijske relevantnosti na novo odkritih rastlinskih virusov, ki jih zgoj</p> | | | | |

| | | |
|---|---|---|
| | | opisni metagenomski podatki ne omogočajo. Zbrani podatki bodo prispevali k razumevanju osnovnih mehanizmov virusne evolucije, hkrati pa bodo predstavljali pomembno znanstveno podlago za oceno tveganj, povezanih z morebitnim pojavom novih virusnih bolezni rastlin. Končni cilj projekta je tudi razvoj standardiziranega eksperimentalnega in analitskega orodja, katerega uporabnost in prenosljivost bosta temeljila prav na kakovostno ustvarjenih in dokumentiranih podatkih. |
| 1.4 | Kakšna je pričakovan a velikost podatkov, ki jih nameravat e ustvariti oz. ponovno uporabiti? | Glej polje 1.2. |
| 2 Shranjevanje in varnostno kopiranje podatkov | | |
| 2.1 | Kje bodo podatki med izvajanjem projekta shranjeni in varnostno kopirani? | <p>Ustvarjeni in pridobljeni podatki se bodo tekom trajanja projekta hranili na strežnikih Nacionalnega inštituta za biologijo. Skrbništvo, varnost in dostop do strežnikov na NIB je urejen z internim pravilnikom »Varnostna politika IS NIB«.</p> <p>Zbrani podatki bodo/so shranjeni na oddelčnem strežniku. Podatki, shranjeni na strežniku se dnevno varnostno kopirajo in arhivirajo, kot je opredeljeno v internem pravilniku »Varnostna politika IS NIB«.</p> <p>Podatki, ki bodo generirani na službenih osebnih računalnikih, se dnevno varnostno kopirajo na namenski interni strežnik.</p> <p>Večji surovi podatkovni seti sekvenciranja bodo shranjeni v repozitoriju internih raziskovalnih (Linux) strežnikov, ki se dnevno varnostno kopirajo na namenski interni strežnik.</p> <p>Izmenjava podatkov s projektnimi partnerji:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Namenski Team / SharePoint za projekte z ustrezno definiranimi dostopi • Uporaba ARNESovih storitev (npr. FileSender https://podpora.arnes.si/filesender/) • Uporaba plačljivih storitev (npr. WeTransfer) |
| 2.2 | Kako boste izbrali podatke za dolgoročno hrambo? | Podatke za dolgoročno hrambo bomo izbirali na podlagi smernic, ki jih določa Pravilnik o ravnanju z raziskovalnimi podatki po načelih odprte znanosti (v celoti objavljen na spletni strani NIB https://www.nib.si/images/datoteke/00S-Opr09-01-Pravilnik-o-ravnanju-z-raziskovalnimi-podatki-po-naelih-odprte-znanosti_002.pdf) – 14. in 16. člen. |
| 2.3 | Ali bodo podatki shranjeni v zaupanja vrednem repozitoriju? | <input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne <p>Objava in hramba podatkov v ustreznih zaupanja vrednih repozitorijih je navedena pod točko 1.2.</p> |
| 3. Zagotovitev podatkov na način FAIR | | |
| 3.1 Zagotavljanje najdljivosti podatkov (F) | | |
| 3.1.1 | Ali bodo podatki | <input checked="" type="checkbox"/> Da |

| | | |
|---|--|---|
| | označeni s trajnim identifikatorjem (PID)? | <input type="checkbox"/> Ne Tip uporabljenih PID za posamezne tipe podatkov je naveden pod točko 1.2. |
| 3.1.2 | Kateri metapodatki bodo ustvarjeni in kateri metapodatkovni standardi bodo pri tem upoštevani? | Nabor metapodatkov bo vključeval: <ul style="list-style-type: none"> • identifikator vzorca (unique sample ID), • tip vzorca (npr. rastlina, voda, laboratorijski testni gostitelj), • biološki kontekst (vrsta gostitelja, tkivo, organ, če je relevantno), • izvor in način pridobitve vzorca (metagenomski vzorec, eksperimentalna okužba, knjižnica mutant), • eksperimentalni kontekst (delovni paket, naloga, eksperimenti, pogoji), • uporabljene laboratorijske metode (npr. RNA izolacija, RT-qPCR, HTS), • podatke o uporabljeni opremi in tehnologiji (tip instrumenta, platforma sekvenciranja), • podatke o operaterju/skupini ter povezavo s projektom, • osnovne tehnične metapodatke za sekvencne podatke (npr. tip knjižnice, dolžina odčitkov, platforma). <p>Metapodatke bomo vodili v tabelarni obliki in/ali v elektronskem laboratorijskem dnevniku (ELN), pri čemer bodo uporabljene enotne sheme poimenovanja in enolični identifikatorji vzorcev, ki bodo omogočali sledljivost od vzorčenja do končne analize.</p> <p>Metapodatkovni standardi so opisano pod točko 1.2.</p> |
| 3.1.3 | Ali bodo metapodatki vsebovali ključne besede za izboljšanje najdljivosti in možnosti ponovne uporabe? | <input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne V metapodatke bomo vključili ustrezne ključne besede in s ključnimi besedami tudi opremili README datoteke, ki bodo spremljale objave podatkov v repozitorijih (npr. Zenodo, Github, DiRRROS). |
| 3.2 Zagotavljanje dostopnosti podatkov (A) | | |
| 3.2.1 | Ali bodo vsi podatki odprto dostopni? | <input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne Odprto dostopni bodo vsi relevantni podatki. |
| 3.2.2 | Kdaj bodo podatki odprto dostopni in za koliko časa? | Podatki bodo odprto dostopni, ko bodo prešli neodvisen proces recenzije, saj bo tako potrjena ustreznost kakovosti objavljenih podatkov. Čas trajanja hrambe specifičnih tipov podatkov je naveden pod točko 1.2. |

| | | |
|-----------|---|--|
| 3.2 .3 | Na kakšen način bo v primeru omejitev pri uporabi omogočen dostop do podatkov med izvajanjem projekta in po njegovem zaključku? | Ne predvidevamo strogih omejitev v dostopu do podatkov, v času izvajanja projekta bodo podatki na voljo samo članom projektne skupine, ki so podatke pridobili oziroma z njihovim privoljenjem tudi drugim zainteresiranim uporabnikom. Pridobljeni podatki ne bodo podatki, ki bi jih morala odobriti etična komisija ali pooblaščenec za varstvo osebnih podatkov. |
| 3.2 .4 | Ali bo za dostop do podatkov oz. njihovo branje potrebna dodatna dokumentacija oz. informacija o ustrezni programski opremi? | <input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne |
| 3.3 | Zagotavljanje interoperabilnosti podatkov (I) | |
| 3.3 .1 | Katere geslovnike oz. šifrante boste uporabili pri pripravi podatkov in metapodatkov? | Glej točko 1.2. |
| 3.3 .2 | Ali boste primorani uporabiti manj poznane ali lastne geslovnike oz. šifrante? | <input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne |
| 3.4 | Zagotavljanje ponovne uporabe podatkov (R) | |

| | | |
|-------------------|---|---|
| 3.4 .1 | Na kakšen način boste zagotovili dokumentacijo, potrebno za ponovno uporabo podatkov? | Podatki bodo opremljeni vsaj z README (txt ali md) datoteko, ki bo vključevala ključne informacije o projektu, avtorjih, metodologiji, citiranju podatkov in licencah. |
| 3.4 .2 | Ali bodo vaši podatki javno dostopni in licencirani z odprtima licencama CC BY oz. CC BY-SA, da bo s tem omogočen a čim širša ponovna uporaba? | <input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne Izbor licenc bo odvisen od tipa podatkov in repozitorija v katerem bodo podatki objavljeni - v repozitorijih, ki omogočajo izbiro takih licenc bodo podatki objavljeni z licencami CC-BY ali CC-BY-SA (npr. Zenodo). Podatki visokozmogljivega sekvenciranja bodo prosto dostopni tudi v standardnih repozitorijih NCBI (npr SRA) in EMBL (npr ENA), ki sta najpomembnejša repozitorija na tem področju in ju priznava širša raziskovalna skupnost s čimer je omogočene največja vidljivost takih podatkov. Podatki so v teh repozitorijih prosto dostopni, vendar v pogojih uporabe ni naveden tip licence pod katerim so objavljeni, oziroma so podatki obravnavani kot da spadajo v javno domeno. |
| 3.4 .3 | Kakšne postopke zagotavlja nja kakovosti podatkov boste uporabili? | <ul style="list-style-type: none"> • Dokumentiranje eksperimentov z ustreznimi metapodatki • Izobraževanje sodelujočih na projektu o ustreznem / standardiziranem vpisovanju in beleženju podatkov in metapodatkov • Uporaba programov ali programskih paketov za urejanje podatkov • Recenzija podatkov pri oddaji podatkov in njihovi objavi v področno specifičnem repozitoriju (GenBank, ENA) • Recenzija podatkov v sklopu objave znanstvenega članka (podatkov, ki so priloženi ali povezani z objavo) • Interna recenzija (npr. s strani več avtorjev pri pripravi znanstvene objave) |
| 4. | Etični in pravni vidiki | |
| 4.1 | Ali obstajajo etična ali pravna vprašanja, ki bi lahko vplivala na deljenje podatkov? | <input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne |
| 4.2 | Ali boste med izvajanjem | <input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne |

| | | |
|--|---|--|
| | projekta obdelovali oz. hranili osebne podatke? | |
| 4.3 | Ali bodo med projektom ustvarjene oz. ponovno uporabljen e posebne vrste osebnih podatkov? | <input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne |
| 4.4 | Kako boste uredili lastništvo podatkov in morebitne avtorske pravice na podatkih, ki jih boste ustvarili ali ponovno uporabili? | <p>Lastništvo raziskovalnih podatkov, ustvarjenih v okviru projekta, bo pripadalo raziskovalni organizaciji (Nacionalni inštitut za biologijo), skladno z veljavno slovensko zakonodajo in internimi pravili organizacije. Avtorstvo podatkov bo ustrezno označeno v metapodatkih, pri čemer bodo kot ustvarjalci navedeni raziskovalci, ki so prispevali k njihovemu nastanku.</p> <p>V primeru sodelovanja z drugimi organizacijami bodo razmerja glede lastništva, dostopa in ponovne uporabe podatkov določena v ustreznih sporazumih (npr. sporazum o sodelovanju), kadar bo to potrebno.</p> <p>Podatki, ki so bili ponovno uporabljeni se bodo delili skladno z licenco oz. pogoji uporabe avtorjev podatkov.</p> |
| 5. Drugi raziskovalni rezultati | | |
| 5.1 | Ali boste poleg podatkov ustvarili ali ponovno uporabili tudi druge raziskovalne rezultate? | <input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne <p>Uporabili bomo protokole, programske kode in plazmida zaporedja, ki jih bomo ali so bili razviti na NIB, pri zunanjih projektnih partnerjih s katerimi imamo podpisane sporazume o sodelovanju, ali pa so prosto dostopni. Uporabili bomo tudi materiale (rastlinski material ali izolirana RNK), ki so bili predhodno zbrani v okviru drugih projektov NIB. Uporaba takih raziskovalnih rezultatov bo ustrezno dokumentirana skupaj z drugimi raziskovalnimi podatki in objavljena (npr. v repozitoriju Zenodo).</p> |
| 6. Finančna sredstva | | |
| 6.1 | Kakšni bodo stroški ravnanja s podatki in drugimi | <p>Stroški ravnanja s podatki po načelih FAIR bodo nastali s hranjenjem podatkov na strežnikih inštituta za čas trajanja projekta (+ 10 let) oziroma do njihove objave v podatkovnem repozitoriju. Ocenjen strošek hranjenja podatkov je 2811 €, ki je bil pripravljen na podlagi časa hranjenja podatkov ocenjene velikosti 1 Tb z orodjem DSW Storage Cost Evaluator (Elixir).</p> |

| | | |
|-----|--|---|
| | rezultati projekta po načelih FAIR in kako bodo kriti? | Ustrezna priprava podatkov, pripadajočih metapodatkov, geslovnikov in obrazcev ter objava v izbranih podatkovnih repozitorijih bo obsegala predvidoma 0,1 FTE (ekvivalent polnega delovnega časa). Stroški ravnanja z rezultati projekta po načelih FAIR bodo kriti iz projekta. |
| 6.2 | Kdo bo odgovorna oseba za ravnanje z raziskovalnimi podatki pri projektu? | Denis Kutnjak |

Uporabljeni viri:

- *Anotirana predloga načrta za ravnanje s raziskovalnimi podatki za projekte Obzorja Evropa.* CTK UL. Dostopno na: <https://dirrosdata.ctl.uni-lj.si/raziskovalni-podatki/nacrt-ravnanja-z-raziskovalnimi-podatki/>.
- Bezjak, Sonja (ur.) (2024). *Spoznaj FAIR: Priročnik o odprti znanosti v Sloveniji.* Univerza na Primorskem. Dostopno na: <https://www.hippocampus.si/ISBN/978-961-293-328-9.pdf>.
- Bezjak S., Grašič J., Korez B., Kverh B., Leskošek B., Romih T., Vipavc Brvar I., Zagorščak M., Županič A. (2025). *Priročnik o načrtovanju ravnanja z raziskovalnimi podatki.* Ljubljana: Založba Univerze v Ljubljani. [Dostopano DD. MM. LLLL]. Pridobljeno s: <https://nrrp.odprtaznanost.si/>
- *Horizon Europe Data management plan template.* Dostopno na: <https://www.openaire.eu/images/Guides/HORIZON EUROPE Data-Management-Plan-Template.pdf>.
- *NWO Template Data management plan.* Dostopno na: <https://www.nwo.nl/en/research-data-management>.

Verzija dokumenta: 1.0

Datum: 15. 05. 2026