

**NAČRT RAVNANJA Z RAZISKOVALNIMI PODATKI  
projekta Z1-70011**

**Raziskovanje viroma  
pajčjih mrež za oceno virusne raznolikosti v ekosistemih**

**verzija dokumenta 1.0**

Vodja projekta, glavni koordinator:  
Dr. Anja Pecman, Nacionalni inštitut za biologijo

Ljubljana, 2026

**NAČRT RAVNANJA Z RAZISKOVALNIMI PODATKI**  
**projekta Z1-70011**  
**verzija dokumenta 1.0**

URL (PDF): <https://dirros.openscience.si/>  
*Elektronska izdaja*

Vodja projekta, glavni koordinator:  
Dr. Anja Pecman, Nacionalni inštitut za biologijo

*Založil* Nacionalni inštitut za biologijo, Ljubljana

Ljubljana, 2026

*Projekt financira Javna agencija za znanstvenoraziskovalno in inovacijsko dejavnost Republike Slovenije*



To delo je ponujeno pod licenco Creative Commons Priznanje avtorstva-Deljenje pod enakimi pogoji 4.0 Mednarodna licenca./ This work is licensed under a Creative Commons Attribution-ShareAlike 4.0 International License.

# NAČRT ZA RAVNANJE Z RAZISKOVALNIMI PODATKI

## OBRAZEC ARIS

Ta obrazec je namenjen pripravi načrta za ravnanje z raziskovalnimi podatki (NRRP) za raziskovalne projekte, ki jih (so)financira Javna agencija za znanstvenoraziskovalno in inovacijsko dejavnost Republike Slovenije (ARIS), kot je določeno v 4. členu [Uredbe o izvajanju znanstvenoraziskovalnega dela v skladu z načeli odprte znanosti](#) (Uradni list RS, št. 59/23).

**Raziskovalni podatki** so opredeljeni kot zapisi o dejstvih (številčni podatki, besedilni, zvočni in slikovni zapisi), ki predstavljajo osnovno podlago za znanstveno raziskovanje in ki v okviru znanstvene skupnosti veljajo kot ustrezno sredstvo za preverjanje veljavnosti raziskovalnih spoznanj.

Prosimo vas, da izpolnite spodnji obrazec NRRP in ga posredujete ARIS **najkasneje v šestih mesecih od začetka izvajanja raziskovalnega projekta**. Priporočljivo je, da NRRP med izvajanjem raziskovalnega projekta po potrebi redno pregledujete in posodabljate. V primeru sprememb posodobljen NRRP priložite vmesnemu in zaključnem poročilu o rezultatih raziskovalnega projekta.

### Pregled vsebine NRRP:

0. Splošne informacije
1. Povzetek in opis raziskovalnih podatkov
2. Shranjevanje in varnostno kopiranje podatkov
3. Zagotovitev podatkov na način FAIR
  - 3.1 Zagotavljanje najdljivosti podatkov (F)
  - 3.2 Zagotavljanje dostopnosti podatkov (A)
  - 3.3 Zagotavljanje interoperabilnosti podatkov (I)
  - 3.4 Zagotavljanje ponovne uporabe podatkov (R)
4. Etični in pravni vidiki
5. Drugi raziskovalni rezultati
6. Finančna sredstva

### Uporabljene kratice:

- ADP – Arhiv družboslovnih podatkov
- GDPR – Splošna uredba o varstvu podatkov
- IT – informacijska tehnologija
- RO – raziskovalna organizacija
- ZVDAGA – Zakon o varstvu dokumentarnega in arhivskega gradiva ter arhivih
- ZVOP-2 – Zakon o varstvu osebnih podatkov

0		Splošne informacije																					
0.1	Šifra projekta	Z1-70011																					
0.2	Naziv projekta	Raziskovanje viroma pajčjih mrež za oceno virusne raznolikosti v ekosistemih																					
0.3	Šifra vodje projekta	38081																					
0.4	Ime in priimek vodje projekta	Anja Pecman																					
0.5	Ime in priimek osebe, ki je v RO zadolžena za podporo pri ravnanju z raziskovalnimi podatki	Luka Kranjc, podatkovni svetovalec na NIB Datum sestanka: 15.04.2026																					
0.6	Interna pravila RO za ravnanje z raziskovalnimi podatki	Pravilnik o ravnanju z raziskovalnimi podatki po načelih odprte znanosti Vsebina Pravilnika je dostopna na spletni strani Nacionalnega inštituta za biologijo: <a href="https://www.nib.si/images/datoteke/00S-Opr09-01-Pravilnik-o-ravnanju-z-raziskovalnimi-podatki-po-naelih-odprte-znanosti_002.pdf">https://www.nib.si/images/datoteke/00S-Opr09-01-Pravilnik-o-ravnanju-z-raziskovalnimi-podatki-po-naelih-odprte-znanosti_002.pdf</a>																					
0.7	Verzija NRRP	1.0																					
1		Povzetek in opis raziskovalnih podatkov																					
1.1	Ali boste pri projektu ponovno uporabili že obstoječe podatke predhodnih raziskav?	<input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne  V raziskavi bomo pridobili in ponovno uporabili obstoječe podatke nukleotidnih sekvenc pridobljenih iz repozitorijev (npr. ENA /GenBank, ...) v formatu FASTA. Obseg podatkov, ki jih bomo ponovno uporabili tekom raziskave še ni znan in bo objavljen skladno s potekom raziskave v sledečih verzijah NRRP.																					
1.2	Katere vrste podatkov boste ustvarili oz. ponovno uporabili in v katerih formatih bodo shranjeni?	Informacije o različnih vrstah ustvarjenih podatkov so zapisane v obliki tabele: <table border="1" data-bbox="582 1422 1388 2027"> <thead> <tr> <th>Ustvarjeni podatki</th> <th>Podatki sekveniranja - surovi odčitki</th> <th>Podatki sekveniranja - soseske (contigs)</th> <th>Ostali spremni podatki in metapodatki</th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td>Format</td> <td>fastq</td> <td>fasta</td> <td>md, sh, R</td> </tr> <tr> <td>Pričakovana velikost</td> <td>&lt; 500 GB</td> <td>&lt; 1 GB</td> <td>&lt; 1 GB</td> </tr> <tr> <td>Standard minimalnih informacij</td> <td>Minimal Information about a high throughput SEQuencing Experiment (MINSEQE), Minimum Information about any (x) Sequence (MIxS)</td> <td>INSDC mandatory submission metadata</td> <td>/</td> </tr> <tr> <td>Podatkovni standard</td> <td>FASTQ (INSDC)</td> <td>FASTA (INSDC)</td> <td>/</td> </tr> </tbody> </table>		Ustvarjeni podatki	Podatki sekveniranja - surovi odčitki	Podatki sekveniranja - soseske (contigs)	Ostali spremni podatki in metapodatki	Format	fastq	fasta	md, sh, R	Pričakovana velikost	< 500 GB	< 1 GB	< 1 GB	Standard minimalnih informacij	Minimal Information about a high throughput SEQuencing Experiment (MINSEQE), Minimum Information about any (x) Sequence (MIxS)	INSDC mandatory submission metadata	/	Podatkovni standard	FASTQ (INSDC)	FASTA (INSDC)	/
Ustvarjeni podatki	Podatki sekveniranja - surovi odčitki	Podatki sekveniranja - soseske (contigs)	Ostali spremni podatki in metapodatki																				
Format	fastq	fasta	md, sh, R																				
Pričakovana velikost	< 500 GB	< 1 GB	< 1 GB																				
Standard minimalnih informacij	Minimal Information about a high throughput SEQuencing Experiment (MINSEQE), Minimum Information about any (x) Sequence (MIxS)	INSDC mandatory submission metadata	/																				
Podatkovni standard	FASTQ (INSDC)	FASTA (INSDC)	/																				

		<table border="1"> <tr> <td>Ontologije in nadzorovani besednjaki</td> <td>/</td> <td>KEGG, NCBI taxonomy</td> <td>EDAM Ontology, Sequence Ontology, NCBI taxonomy</td> </tr> <tr> <td>Metapodatkovni standard</td> <td><a href="#">INSDC submission and annotation standard</a></td> <td><a href="#">INSDC submission and annotation standard</a></td> <td>-</td> </tr> <tr> <td>Repozitorij za dolgotrajno hrambo</td> <td><a href="#">ENA</a></td> <td><a href="#">GenBank</a></td> <td><a href="#">Zenodo</a></td> </tr> <tr> <td>PID dolgotrajne hrambe</td> <td>Accession number</td> <td>Accession number</td> <td>DOI</td> </tr> <tr> <td>Licenca dolgotrajne hrambe</td> <td>javna domena</td> <td>javna domena</td> <td>CC BY 4.0</td> </tr> <tr> <td>Čas hranjenja</td> <td>trajno</td> <td>trajno</td> <td>trajno</td> </tr> <tr> <td>Ključne besede</td> <td>metagenomics, virome of spiders and spider webs, high-throughput sequencing</td> <td>viral contigs, genome assembly, RNA/DNA viruses, virus discovery, viral diversity</td> <td>phenodata, metadata, bioinformatics pipeline, FAIR data, open-source software</td> </tr> </table>	Ontologije in nadzorovani besednjaki	/	KEGG, NCBI taxonomy	EDAM Ontology, Sequence Ontology, NCBI taxonomy	Metapodatkovni standard	<a href="#">INSDC submission and annotation standard</a>	<a href="#">INSDC submission and annotation standard</a>	-	Repozitorij za dolgotrajno hrambo	<a href="#">ENA</a>	<a href="#">GenBank</a>	<a href="#">Zenodo</a>	PID dolgotrajne hrambe	Accession number	Accession number	DOI	Licenca dolgotrajne hrambe	javna domena	javna domena	CC BY 4.0	Čas hranjenja	trajno	trajno	trajno	Ključne besede	metagenomics, virome of spiders and spider webs, high-throughput sequencing	viral contigs, genome assembly, RNA/DNA viruses, virus discovery, viral diversity	phenodata, metadata, bioinformatics pipeline, FAIR data, open-source software
Ontologije in nadzorovani besednjaki	/	KEGG, NCBI taxonomy	EDAM Ontology, Sequence Ontology, NCBI taxonomy																											
Metapodatkovni standard	<a href="#">INSDC submission and annotation standard</a>	<a href="#">INSDC submission and annotation standard</a>	-																											
Repozitorij za dolgotrajno hrambo	<a href="#">ENA</a>	<a href="#">GenBank</a>	<a href="#">Zenodo</a>																											
PID dolgotrajne hrambe	Accession number	Accession number	DOI																											
Licenca dolgotrajne hrambe	javna domena	javna domena	CC BY 4.0																											
Čas hranjenja	trajno	trajno	trajno																											
Ključne besede	metagenomics, virome of spiders and spider webs, high-throughput sequencing	viral contigs, genome assembly, RNA/DNA viruses, virus discovery, viral diversity	phenodata, metadata, bioinformatics pipeline, FAIR data, open-source software																											
1.3	Kakšen je namen ustvarjanja, zbiranja oz. ponovne uporabe podatkov in njihova povezava s cilji projekta?	Namen ustvarjanja, zbiranja in ponovne uporabe podatkov v projektu je razvoj novih pristopov za analizo viroma ter pridobivanje podatkov o virusni raznolikosti na pajčjih mrežah v različnih ekosistemih. Ti podatki so neposredno povezani s cilji projekta, saj omogočajo vzpostavitev inovativnega, neinvazivnega načina vzorčenja s pajčevinami, boljše razumevanje raznolikosti virusov (tudi tistih, povezanih s pajki) ter primerjavo med ekosistemi. S tem projekt prispeva k napredku v okoljski virologiji in podpira razvoj učinkovitih strategij za spremljanje bolezni in stanja ekosistemov.																												
1.4	Kakšna je pričakovana velikost podatkov, ki jih nameravate ustvariti oz. ponovno uporabiti?	<input type="checkbox"/> 0–10 GB <input type="checkbox"/> 10–100 GB <input checked="" type="checkbox"/> 100–1000 GB <input type="checkbox"/> >1000 GB																												
<b>2</b>	<b>Shranjevanje in varnostno kopiranje podatkov</b>																													
2.1	Kje bodo podatki med izvajanjem projekta shranjeni in varnostno kopirani?	<p>Ustvarjeni in pridobljeni podatki se bodo tekom trajanja projekta hranili na strežnikih Nacionalnega inštituta za biologijo. Skrbništvo, varnost in dostop do strežnikov na NIB je urejen z internim pravilnikom »Varnostna politika IS NIB«.</p> <p>Podatki, shranjeni na oddelčnem strežniku se dnevno varnostno kopirajo in arhivirajo, kot je opredeljeno v internem pravilniku »Varnostna politika IS NIB«.</p> <p>Podatki, shranjeni na službenih osebnih računalnikih, se dnevno varnostno kopirajo na namenski interni strežnik.</p>																												

		<p>Podatki shranjeni v repozitoriju internih raziskovalnih (Linux) strežnikov, se varnostno kopirajo na namenski interni strežnik.</p> <p>Za izmenjavo podatkov s sodelujočimi partnerji bomo uporabili ARNESove storitev (npr. FileSender <a href="https://podpora.arnes.si/filesender/">https://podpora.arnes.si/filesender/</a>).</p>
2.2	<p><b>Kako boste izbrali podatke za dolgoročno hrambo?</b></p>	<p>Podatke za dolgoročno hrambo bomo izbirali na podlagi smernic, ki jih določa <b>Pravilnik o ravnanju z raziskovalnimi podatki po načelih odprte znanosti</b> (v celoti objavljen na spletni strani NIB <a href="https://www.nib.si/images/datoteke/00S-Opr09-01-Pravilnik-o-ravnanju-z-raziskovalnimi-podatki-po-naelih-odprte-znanosti_002.pdf">https://www.nib.si/images/datoteke/00S-Opr09-01-Pravilnik-o-ravnanju-z-raziskovalnimi-podatki-po-naelih-odprte-znanosti_002.pdf</a>) in sicer:</p> <p><b>14. člen</b> <b>Hramba raziskovalnih podatkov na NIB</b> Med izvajanjem raziskav se vsi zbrani raziskovalni podatki primarno hranijo na NIB z omejenim dostopom. Objavo v javno dostopnem podatkovnem repozitoriju mora odobriti vodja projekta. Raziskovalni podatki se morajo hraniti najmanj za časovno obdobje določeno v projektne razpisu ali 10 let od nastanka (kar nastopi kasneje). Izjemno pomembnim podatkom, če so v Evidenci raziskovalnih podatkov opredeljeni kot taki, mora vedno biti zagotovljeno dolgoročno hranjenje. Pod pogojem, da so podatki shranjeni v zaupanju vrednem repozitoriju in lokacija zavedena v Evidenci raziskovalnih podatkov, fizična hramba na NIB ni potrebna.</p> <p>V primeru, da zaradi obsega raziskovalnih podatkov infrastruktura ne omogoča dolgotrajnega hranjenja, vodja projekta lahko predlaga izbris podatkov. Izbris mora potrditi vodja raziskovalne enote in mora biti zaveden v Evidenci raziskovalnih podatkov. Izbris izjemno pomembnih podatkov mora potrditi Znanstveni svet ali Direktor inštituta.</p> <p><b>16. člen</b> <b>Dolgotrajna hramba in objava v javno dostopnih podatkovnih repozitorijih</b> Vsi raziskovalni podatki morajo biti shranjeni v ustreznem javnem podatkovnem repozitoriju najmanj v obsegu, ki zagotavlja ponovljivost rezultatov in ugotovitev, pridobljenih na osnovi teh podatkov.</p> <p>Podatki morajo biti shranjeni v ustreznem javnem podatkovnem repozitoriju čim prej po nastanku, in objavljeni najkasneje ob objavi znanstvenega prispevka oziroma ob zaključku raziskovalnega projekta, odvisno od tega kaj nastane prej.</p> <p>Podatki naj bodo prednostno predani v hrambo v področni podatkovni repozitorij, namenjen določenim vrstam podatkov pred splošnimi in z vidika znanstvenih področij nespecifičnimi repozitoriji raziskovalnih podatkov, razen v primeru izjem, ki jih določa 18. člen tega pravilnika.</p> <p>Raziskovalni podatki in pripadajoča dokumentacija, shranjeni v repozitorijih raziskovalnih podatkov, morajo biti v čim večji meri odprti in dostopni s čim manj omejitvami. Za ta namen je priporočeno, da so podatki ponujeni pod pogoji javne rabe prosti vseh licenc (CC0), ali z licencami Creative Commons CC-BY ali CC-BY-SA oz. podobnimi, razen v primeru uveljavljanja izjem (18. člen).</p>
2.3	<p><b>Ali bodo podatki shranjeni v zaupanja vrednem repozitoriju?</b></p>	<p><input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne</p> <p>Podatke bomo objavili v izbranem repozitoriju (EMBL-EBI in/ali SRA in/ali GenBank in Zenodo ), ker ga priznava raziskovalna skupnost na področju Medicine in Biotehnike in bo na ta način najbolje zagotovljena vidnost in dostopnost podatkov zainteresirani strokovni in splošni javnosti. Repozitoriji EMBL-EBI, SRA, GenBank, Zenodo ne navajajo informacij o dolgotrajnem hranjenju in / ali izvajanju dolgotrajnega skrbništva.</p>
3.	<p><b>Zagotovitev podatkov na način FAIR</b></p>	
3.1	<p><b>Zagotavljanje najdljivosti podatkov (F)</b></p>	

<b>3.1.1</b>	<b>Ali bodo podatki označeni s trajnim identifikatorjem (PID)?</b>	<input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne Glej točko 1.2.
<b>3.1.2</b>	<b>Kateri metapodatki bodo ustvarjeni in kateri metapodatkovni standardi bodo pri tem upoštevani?</b>	Glej točko 1.2.
<b>3.1.3</b>	<b>Ali bodo metapodatki vsebovali ključne besede za izboljšanje najdljivosti in možnosti ponovne uporabe?</b>	<input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne Ključne besede bomo vpisali v README datoteko metapodatkov, ki bo shranjena v repozitoriju Zenodo in navedene v namenskem polju za ključne besede (Zenodo).
<b>3.2</b>	<b>Zagotavljanje dostopnosti podatkov (A)</b>	
<b>3.2.1</b>	<b>Ali bodo vsi podatki odprto dostopni?</b>	<input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne Odprto dostopni bodo vsi relevantni podatki.
<b>3.2.2</b>	<b>Kdaj bodo podatki odprto dostopni in za koliko časa?</b>	Podatki bodo odprto dostopni, ko bodo šli prešli neodvisen proces recenzije, saj bo tako potrjena ustrezna kakovost objavljenih podatkov. Za informacijo o dostopnosti in času trajanja glej točko 1.2 in 2.3.
<b>3.2.3</b>	<b>Na kakšen način bo v primeru omejitev pri uporabi omogočen dostop do podatkov med izvajanjem projekta in po njegovem zaključku?</b>	Ne predvidevamo strogih omejitev v dostopu do podatkov, v času izvajanja projekta bodo podatki na voljo samo članom projektne skupine, ki so podatke pridobili oziroma z njihovim privoljenjem tudi drugim zainteresiranim uporabnikom. Pridobljeni podatki niso podatki, ki bi jih morala odobriti etična komisija ali pooblaščenec za varstvo osebnih podatkov.
<b>3.2.4</b>	<b>Ali bo za dostop do podatkov oz. njihovo branje potrebna</b>	<input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne

	<b> dodatna dokumentacija oz. informacija o ustrezni programski opremi?</b>	
<b>3.3</b>	<b>Zagotavljanje interoperabilnosti podatkov (I)</b>	
<b>3.3.1</b>	<b>Katere geslovnike oz. šifrante boste uporabili pri pripravi podatkov in metapodatkov?</b>	Glej točko 1.2.
<b>3.3.2</b>	<b>Ali boste primorani uporabiti manj poznane ali lastne geslovnike oz. šifrante?</b>	<input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne
<b>3.4</b>	<b>Zagotavljanje ponovne uporabe podatkov (R)</b>	
<b>3.4.1</b>	<b>Na kakšen način boste zagotovili dokumentacijo, potrebno za ponovno uporabo podatkov?</b>	Glej točko 3.1.3.
<b>3.4.2</b>	<b>Ali bodo vaši podatki javno dostopni in licencirani z odprtima licencama CC BY oz. CC BY-SA, da bo s tem omogočena čim širša ponovna uporaba?</b>	<input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne Glej točko 1.2.
<b>3.4.3</b>	<b>Kakšne postopke zagotavljanja kakovosti podatkov boste uporabili?</b>	Kakovost podatkov bomo zagotavljali z uporabo standardiziranih geslovnikov (točka 1.2), predhodno pripravljenih obrazcev/baz za vnašanje podatkov ter pregledom in recenzijo podatkov ob njihovi oddaji v področno specifičnem repozitoriju (npr. GenBank, ENA) (točka 1.2), dokumentiranjem eksperimentov z ustreznimi metapodatki (točki 1.2 in 3.1.3) ter z interno recenzijo članka (s strani soavtorjev) in pripadajočih podatkov v okviru znanstvene objave.

4. Etični in pravni vidiki		
4.1	Ali obstajajo etična ali pravna vprašanja, ki bi lahko vplivala na deljenje podatkov?	<input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne
4.2	Ali boste med izvajanjem projekta obdelovali oz. hranili osebne podatke?	<input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne
4.3	Ali bodo med projektom ustvarjene oz. ponovno uporabljene posebne vrste osebnih podatkov?	<input type="checkbox"/> Da <input checked="" type="checkbox"/> Ne
4.4	Kako boste uredili lastništvo podatkov in morebitne avtorske pravice na podatkih, ki jih boste ustvarili ali ponovno uporabili?	<p>Organizacija / oseba, na kateri bodo nastali podatki je lastnik omenjenih podatkov, ki se bodo delili pod CC-BY.</p> <p>Podatki, ki bodo ponovno uporabljeni, se bodo delili skladno z licenco oz. pogoji uporabe avtorjev podatkov.</p>
5. Drugi raziskovalni rezultati		
5.1	Ali boste poleg podatkov ustvarili ali ponovno uporabili tudi druge raziskovalne rezultate?	<input checked="" type="checkbox"/> Da <input type="checkbox"/> Ne Ustvarili bomo dokumentacijo (README datoteko z metapodatki), ter phenodata datoteko, skripte in protokole.
6. Finančna sredstva		
6.1	Kakšni bodo stroški ravnanja s podatki in	Stroški ravnanja s podatki po načelih FAIR bodo nastali s hranjenjem podatkov na strežnikih inštituta za čas trajanja projekta (+ 10 let) oziroma do njihove objave v podatkovnem repozitoriju. Ocenjen strošek hranjenja podatkov je bil pripravljen na

	<b>drugimi rezultati projekta po načelih FAIR in kako bodo kriti?</b>	<p>podlagi časa hranjenja podatkov in njihove velikosti z orodjem <u>DSW Storage Cost Evaluator</u> (Elixir) in bo okvirno znašal 2261€ (oz 452€/leto)</p> <p>Ustrezna priprava podatkov, pripadajočih metapodatkov, geslovnikov in obrazcev ter objava v izbranih podatkovnih repozitorijih bo obsegala predvidoma 0.1 FTE raziskovalnih ur.</p> <p>Stroški ravnanja z rezultati projekta po načelih FAIR bodo kriti iz projekta. Podatki ki se hranijo v oblakih programske opreme CLC Genomics Workbench in na ostalih serverjih so kriti iz projektov in infrastrukture NIB.</p>
6.2	<b>Kdo bo odgovorna oseba za ravnanje z raziskovalnimi podatki pri projektu?</b>	<p>Vodja projekta: Anja Pecman</p>

#### Uporabljeni viri:

- *Anotirana predloga načrta za ravnanje s raziskovalnimi podatki za projekte Obzorja Evropa.* CTK UL. Dostopno na: <https://dirrosdata.ctl.uni-lj.si/raziskovalni-podatki/nacrt-ravnanja-z-raziskovalnimi-podatki/>.
- Bezjak, Sonja (ur.) (2024). *Spoznaj FAIR: Priročnik o odprti znanosti v Sloveniji.* Univerza na Primorskem. Dostopno na: <https://www.hippocampus.si/ISBN/978-961-293-328-9.pdf>.
- Bezjak S., Grašič J., Korez B., Kverh B., Leskošek B., Romih T., Vipavc Brvar I., Zagorščak M., Županič A. (2025). *Priročnik o načrtovanju ravnanja z raziskovalnimi podatki.* Ljubljana: Založba Univerze v Ljubljani. [Dostopano DD. MM. LLLL]. Pridobljeno s: <https://nrrp.odprtaznanost.si/>
- *Horizon Europe Data management plan template.* Dostopno na: <https://www.openaire.eu/images/Guides/HORIZON EUROPE Data-Management-Plan-Template.pdf>.
- *NWO Template Data management plan.* Dostopno na: <https://www.nwo.nl/en/research-data-management>.

Verzija dokumenta: 1.0

Datum: 15. 10. 2024